



中国科学院动物研究所
INSTITUTE OF ZOOLOGY, CHINESE ACADEMY OF SCIENCES

首届“全国生物系统学学术论坛”

12月9日-12月11日 2016·北京



主办单位：中国昆虫学会青年工作委员会
中国科学院青年创新促进会

承办单位：中国科学院动物进化与系统学重点实验室

赞助单位：北京源亨基因（OREGENE）科技股份有限公司

首届“全国生物系统学学术论坛”通知

为了促进和探讨我国生物系统学发展战略、学术交流和青年人才培养,首届“全国生物系统学学术论坛”将于2016年12月9-11日在北京胜利饭店召开。此次会议由中国昆虫学会青年工作委员会、中国科学院青年创新促进会联合主办,中国科学院动物进化与系统学重点实验室承办。

1. 会议内容

学术交流,古生物学、昆虫学、动物学、植物学、微生物学、病毒学等不同学科方向系统学研究进展。

学术报告、专题讨论、海报展示、青年交流等学术交流活动。

1. 会议时间

2016年12月9日(周五),10-11日(周六、周日),12日(周日)。

2. 会议地点

2016年12月9日

08:00-17:00 注册报到,地点:北京胜利饭店1

2016年12月10日

08:00-12:00 学术报告,地点

08:00-08:30 午餐休息(北京饭店)

08:30-09:00 学术报告(北京饭店)

09:00-09:30 午餐,地点

09:30-12:00 学术报告

12:15-12:30 午餐(北京饭店)

13:00-16:00 学术报告

16:00-16:30 晚餐,北京饭店、北京饭店

16:30 学术报告(北京饭店)

2016年12月11日

08:00-10:00 学术报告

10:00-10:30 午餐

10:30-12:00 学术报告

12:15-12:30 午餐(北京饭店)

13:00-16:00 学术报告

16:00-16:30 晚餐

16:30-17:00 学术报告

17:00-18:00 晚餐(北京饭店)

2016年12月12日

代表离会

4. 会议地点

北京胜利饭店，中国北京市朝阳区昌平路德胜门外北沙滩3号
(<http://www.shenglihotel.com/>)。

5. 主办单位

中国昆虫学会青年工作委员会，中国科学院青年创新促进会。

6. 承办单位

中国科学院动物研究所动物进化与系统学院重点实验室。

7. 会议注册费

会议注册费为 800 元 / 人 (学生 600 元 / 人)，会议发票由中国昆虫学会开具。因学会无 POS 机，无法刷卡，请于现场缴纳现金注册。

本次论坛参会人员交通及住宿费用自理，大会按照规定提供工作餐。敬请理解支持。

8. 会议联系人

白明博士: baim@ioz.ac.cn, 15699706125

罗阿蓉博士: luoar@ioz.ac.cn, 13439494108

赵建基博士: zhaojianji@ioz.ac.cn, 13681611111



-----	2
-----	6
-----	7
-----	8
-----	10
Increasing Scale and Species-Richness in Phylogenetics-----	11
-----	12
Molecular systematics for understanding the evolution of and speciation in streptomycetes-----	13
Ranunculaceae and the evo-devo of the flower-----	14
- -----	15
Genetic endemism– implication for current avian endemic centers of China by comparative phylogeography-----	16
-----	18
- -----	20
-----	21
5000 species vs. 5000 genes: Tree of Life from root to tips-----	22
-----	23
-----	24
-----	25
The Promise and Limitation of Plant Phylogenomics-----	26
Genetic diversity and molecular evolution of Potato Virus Y in China-----	27
-----	28
<i>Feirana</i> -----	29
Pathogen genomics and evolution-----	31
MrBayes GPU -----	32

"

"

	9:00-9:25			
	9:25-9:50			
	9:50-10:15			C -
	10:15-10:30	"	"	
	10:30-10:55	C		

13:30-13:55			C C	A C	C
13:55-14:20				-	B
14:20-14:45				-	
14:45-15:10					C
15:10-15:30	"	"			
15:30-15:55			5000	. 5000	:
15:55-16:20				-	-
16:20-18:00					
18:00-					

	8:30-8:55			C
	8:55-9:20			
	9:20-9:45			
	9:45-10:10			
	10:10-10:30	" "		
	10:30-10:55			-
	10:55-11:20			A A
	11:20-11:45			
	11:45-12:10			B A A B B A B
	12:10-13:30			
	13:30-13:55			
	13:55-14:20			: A ' :
	14:20-14:45			C B

14:45-15:10				, - : B
15:10-15:35				fi C ,
15:35-15:55	" "			
15:55-16:20				A B A
16:20-16:45				B A -A -
16:45-17:10				AB B
17:10-17:35				B C :
17:35-18:00				C C C : fi
18:00-18:15				
18:00-				

,C A

M. Heude 1860 P.
Musée de Zi-Ka-wei 1930
Musée de Heude
50
60
1996
2007
2008 12
2010 7 2015 8



" " C
 -
 (B . 2016,) (. 2016, A C .)
 " " (.
 2016, C B)



. A -

fi

fi "

C ,

(-)

3

fi

(A) B (B

. 2016,), fi B (., 2016,

C .), (

2016, C B), fi B (., 2016, C

B). C - C , -

C , B- , -

(., 2016,

G

A : *Gymnosporangium* (,)

Malus , *Gymnosporangium* , . . . *Juniperus*
Gymnosporangium .
A
(C) () .
Gymnosporangium
Gymnosporangium
C
14 12
10 *Gymnosporangium*
Gymnosporangium ,
Gymnosporangium ,
Gymnosporangium .

I

-

P

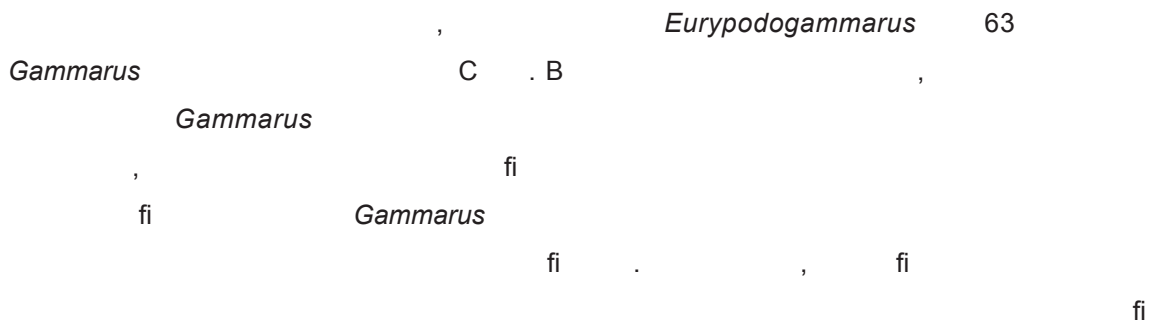
A

1 63

(., 2011. A)

(., 2014. *Cladistics*)

diversi f cation



M



-

. *Streptomyces*

.



-

"

"

"

"

4000

2000

"

"

C



G

C

. **A** .



C

A :
(*Stachyridopsis ruficeps*).

(*Alcippemorrissonia*)



: 35@

90% C 50%

102

95%

95

90%

96

90%

C

C

1/10

L - D N N M
P B

fi ,

()

()

50% 90%. B C fi

102



-



, 2007

/

AB

B

100

(C),

(, ,),

C

, ,

,
.

,
(

, 2007)

C

A,

A,

/

,

5000

. 5000

:

L

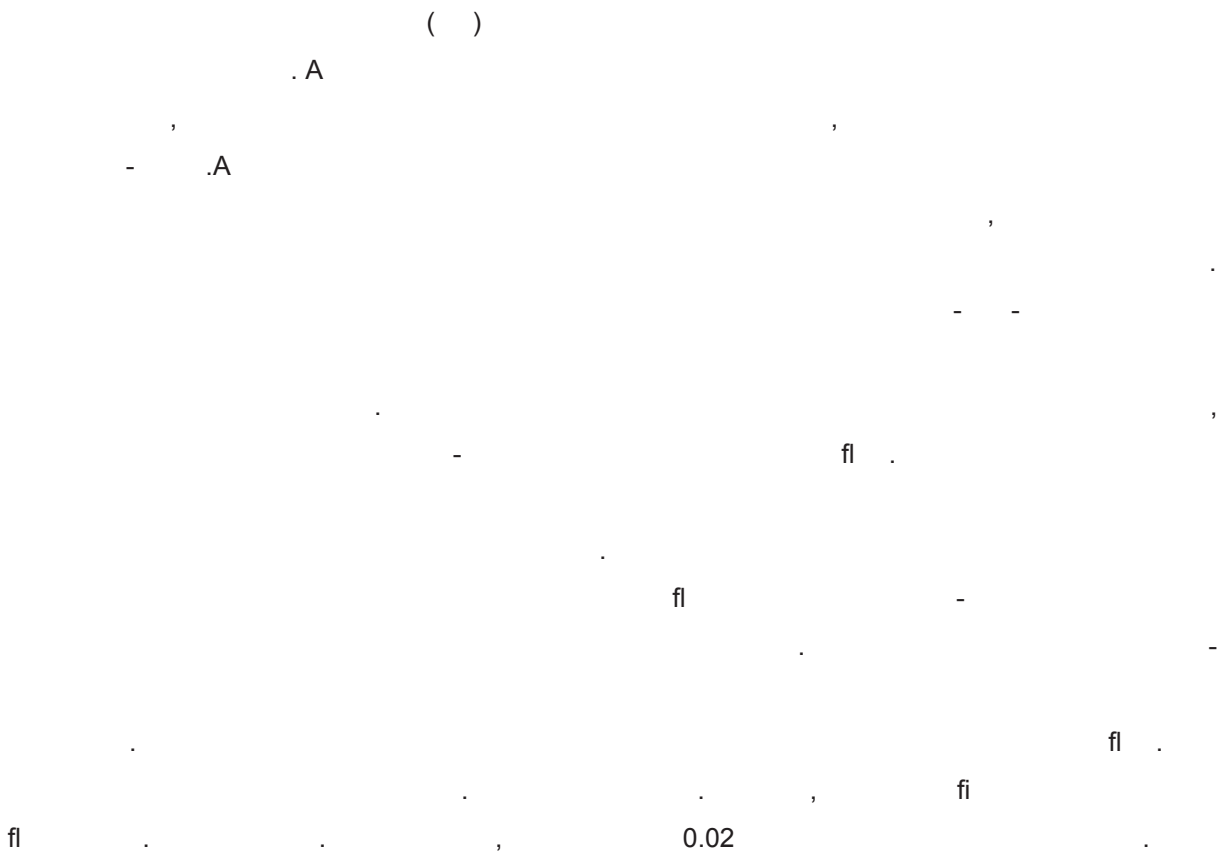
fi . - A
, , fi . , , ,
, , 1,478 - ,
144 .
- . A ,
fi A
.
.



0.02 /

M

with-migration model for testing gene flow





					2	11	57	300
8000	10	2	14			/		

P

	()				,	C		
A	,	11	, 57		300	,	8,000	.
	/		10			, 2		,
	14		,					



/

-

(C) (C) —

P

L

P

P

A :

3

3
3 "
983" 3 33

3 9

,

/

G

C

P

Potato virus Y ()



A

fi

,

□ □ □ □ □ A □ □ □ □ □ □ □ □ □ □

= 10 0 0 1 0 0 0 0 6 0 0 4 3 9 5 7 6 5 5 6 6 5 6 1 0 3 9 2 2 0 5 5 5 5 5 1 2 5 5 2 0 7 7 5 0 2 4 0 0 1 0 2 2 2 6 0 3 6 5 1 9 9 1 0 0 0 1 6 0 2 2 7 1 1

Feirana

A : A :

610041

Feirana

3

1

5

-

2

(A : A : D)

Feirana

C

Feirana,

fi

fi

. *Feirana quadrans* and *F. taihangnica* occupy

fi

fi

fi



F. quadranusthat

Key words:

, A

P

Di Liu

, C A , B 100101, C

15

. **Origin and transmission of H7N9 influenza virus.** The H7N9 avian influenza virus is

A

. A

H7N9 influenza virus was from at least four different lineages of influenza viruses; and during rapid

poultry H9N2 influenza viruses. This mechanism is different from H1N1 and H5N1 influenza viruses.

MrBayes GPU

B -

$$\frac{C (C)^3}{(C)^3} \quad A$$

$$\frac{2011 (B)) 2013}{170} \quad 2015$$

$$\frac{B}{3.2}$$

$$:// \quad . / / -$$

GP

M B

B , - $C (C C C (C)^3),$
 B , $A (C)^3 B$
 - A . , ()
 (,) fi .
 , B , fi 2011(B) .
 2013 (B), A 170. 2015 (B),
 : // . / / -



3

20

185

500

2

Y

:

Hybridization, ecological selection, and the adaptation to Tibetan Plateau: what we learned from *P*

A : (,)

fl

Pinus densata(),

P. tabuliformis (

: (1)

; (3)

: (1)

; (2)

; (3) ()

, *P. yunnanensis* (

C)

: (2)

-/

K

()

(A B). A

A / - . B

fi

A B

(*Rhinopithecus roxellana*).

A B,

R. roxellana

A

fi

Keyword: ; ; ; ; ;

C

C 31270438 31470455,

From genome evolution to virus transmission, intra-host : EBO

A :
2013-2016 () A ,
28,616 fi , 11,310 10, 2016.
()

*

**

210023

lat. *Potamidae* Ortmann, 1896 *Sinopotamon* Bott, 1967 *Sinopotamon* s.

75% A

0.7 A

Sinopotamon s. str. *Longpotamon* , & , 2016

4 6 68 24

50% 35 1

C *S. davidi*

S. kwanhsiense *S. fuxingense* *S. emeiense*

S. shensiense *S. yangtsekiense* *S. honanense*

1

Diversification of *Sinopotamon* crabs, taxonomy and

*

** , , C , ,

(C , , 210023)

*

C . 31471972 .

** C : @ . .



"

"

-

-

"

A

B

A
E

F

"

fi .

,

,

.



@ . .

C
kmer

- -
-

C . A

kmer



B , . C ,
 ,
 ,
 - " 3 (B), C -3A< 33 . B C ,
 + B

DNA

100048

A 2003 . 2003
, A
A . 2008 A
2012) (. 2012) A
2008 , . 2016), A
A

F DNA

A- A
C , C , 100048, B , C A

A fi . ,
. C , A
, C ,
, B - fi (2008), -
(. 2012), - (2012),
B (. 2016), .



, @ . . .

C **C**
N

C
C , @ . . .

B , fi , fi
,
,
,
,
C -
,
,